

## Modułowe efekty kształcenia

Moduł:	<b>Bioinformatyka</b>
Kierunek:	Biotechnologia
Specjalność:	Biotechnologia medyczna
Poziom:	II stopień
Typ:	stacjonarny
Profil:	ogólnoakademicki
Rok zatwierdzenia oferty dydaktycznej:	2013

Symbol	Opis	Kierunkowe efekty kształcenia	Obszarowe efekty kształcenia
01	Student potrafi opisać znaczenie metod bioinformatycznych w rozwoju nauk medycznych i biotechnologicznych	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_W09</li> <li>• K_W10</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_W03</li> <li>• P2A_W05</li> <li>• P2A_W06</li> </ul>
02	Student potrafi opisać znaczenie metod bioinformatycznych w rozwoju nauk medycznych i biotechnologicznych	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_W10</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_W06</li> </ul>
03	Student potrafi scharakteryzować szczegółowo właściwości cząsteczek DNA i białek na podstawie komputerowo przetworzonych informacji o ich pierwszorzędowej strukturze	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_W01</li> <li>• K_W03</li> <li>• K_W07</li> <li>• K_W10</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_W01</li> <li>• P2A_W02</li> <li>• P2A_W06</li> </ul>
04	Student potrafi posługiwać się specjalistycznym słownictwem z zakresu bioinformatyki	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_U01</li> <li>• K_U05</li> <li>• K_U09</li> <li>• K_U10</li> <li>• K_U12</li> <li>• K_U13</li> <li>• K_U17</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_U01</li> <li>• P2A_U04</li> <li>• P2A_U05</li> <li>• P2A_U06</li> <li>• P2A_U07</li> </ul>
05	Student potrafi zastosować podstawowe narzędzia i algorytmy bioinformatyczne w samodzielnie prowadzonych analizach sekwencji DNA i białek	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_U01</li> <li>• K_U04</li> <li>• K_U05</li> <li>• K_U09</li> <li>• K_U10</li> <li>• K_U11</li> <li>• K_U12</li> <li>• K_U13</li> <li>• K_U14</li> <li>• K_U16</li> <li>• K_U17</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_U01</li> <li>• P2A_U04</li> <li>• P2A_U05</li> <li>• P2A_U06</li> <li>• P2A_U07</li> </ul>
06	Student potrafi interpretować i wyciągać wnioski z przeprowadzonych in silico analiz	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_U05</li> <li>• K_U09</li> <li>• K_U17</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_U05</li> <li>• P2A_U06</li> <li>• P2A_U07</li> </ul>
07	Student rozumie konieczność tworzenia i rozwijania publicznych biologicznych baz danych	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_K01</li> <li>• K_K08</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_K01</li> <li>• P2A_K05</li> <li>• P2A_K07</li> </ul>
08	Student rozumie pomocniczy charakter narzędzi bioinformatycznych w określaniu funkcji genów i białek	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_K01</li> <li>• K_K07</li> <li>• K_K08</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_K01</li> <li>• P2A_K03</li> <li>• P2A_K05</li> <li>• P2A_K07</li> </ul>