

## Modułowe efekty kształcenia

Moduł:	<b>Mechanizmy patogenności mikroorganizmów</b>
Kierunek:	Biotechnologia
Specjalność:	Biotechnologia medyczna
Poziom:	II stopień
Typ:	stacjonarny
Profil:	ogólnoakademicki
Rok zatwierdzenia oferty dydaktycznej:	2013

Symbol	Opis	Kierunkowe efekty kształcenia	Obszarowe efekty kształcenia
01	Zna charakterystykę i funkcje mikroflory fizjologicznej człowieka oraz podstawy klasyfikacji czynników determinujących chorobotwórczość bakterii	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_W05</li> <li>• K_W06</li> <li>• K_W08</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_W03</li> <li>• P2A_W04</li> <li>• P2A_W08</li> </ul>
02	Zna podstawy analizy strukturalnej i genomowej w celu przewidywania stopnia wirulencji bakterii	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_W05</li> <li>• K_W06</li> <li>• K_W08</li> <li>• K_W09</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_W03</li> <li>• P2A_W04</li> <li>• P2A_W05</li> <li>• P2A_W08</li> </ul>
03	Zna techniki identyfikacji czynników bakterii niezbędnych do przeżywania w organizmie gospodarza	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_W05</li> <li>• K_W11</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_W03</li> <li>• P2A_W04</li> <li>• P2A_W08</li> <li>• P2A_W10</li> </ul>
04	Zna zasady przewidywania docelowych miejsc działania czynników antybakteryjnych	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_U01</li> <li>• K_U03</li> <li>• K_U04</li> <li>• K_U06</li> <li>• K_U07</li> <li>• K_U10</li> <li>• K_U11</li> <li>• K_U12</li> <li>• K_U13</li> <li>• K_U14</li> <li>• K_U15</li> <li>• K_U16</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_U01</li> <li>• P2A_U03</li> <li>• P2A_U04</li> <li>• P2A_U06</li> <li>• P2A_U07</li> </ul>
05	Znać metody korzystania z elektronicznych baz danych do identyfikacji bakterii chorobotwórczych	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_U03</li> <li>• K_U06</li> <li>• K_U17</li> <li>• K_U20</li> <li>• K_U21</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_U03</li> <li>• P2A_U05</li> <li>• P2A_U06</li> <li>• P2A_U07</li> </ul>
06	Charakteryzuje mechanizmy interakcji bakteria-gospodarz	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_U01</li> <li>• K_U03</li> <li>• K_U06</li> <li>• K_U10</li> <li>• K_U12</li> <li>• K_U13</li> <li>• K_U17</li> <li>• K_U21</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_U01</li> <li>• P2A_U03</li> <li>• P2A_U04</li> <li>• P2A_U05</li> <li>• P2A_U06</li> <li>• P2A_U07</li> </ul>
07	Potrafi powiązać znajomość struktur i metabolizmu bakterii z przebiegiem infekcji	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_U03</li> <li>• K_U06</li> <li>• K_U17</li> <li>• K_U21</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_U03</li> <li>• P2A_U05</li> <li>• P2A_U06</li> <li>• P2A_U07</li> </ul>
08	Identyfikuje geny i białka związane z wirulencją na podstawie analizy porównawczej sekwencji nukleotydowych i aminokwasowych baz danych	<ul style="list-style-type: none"> <li>• K_K01</li> <li>• K_K03</li> <li>• K_K07</li> <li>• K_K08</li> <li>• K_K09</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• P2A_K01</li> <li>• P2A_K02</li> <li>• P2A_K03</li> <li>• P2A_K05</li> <li>• P2A_K07</li> <li>• P2A_K08</li> </ul>